

Supplemental Table 1

SNPs in *NOTCH2NLC* homolog genes.

SNP locus in the 10 kb region upstream and downstream of STR in <i>NOTCH2NLC</i> gene		Bases of corresponding sites in the 10 kb homologous region upstream and downstream of the STR of <i>NOTCH2NLC</i> gene			
hg38 location	NOTCH2NL C	NOTCH2	NOTCH2NLA	NOTCH2NLB	NOTCH2N listLR
149382265	C	C	G	C	C
149382302	A	G	G	G	G
149382316	C	C	C	C	T
149382360	C	T	T	T	T
149382560	C	A	A	A	A
149382710	A	T	T	T	T
149382731	G	G	A	A	G
149383086	G	A	G	G	A
149383107	T	A	T	T	A
149383150	G	G	A	A	G
149383152	G	G	G	T	G
149383200	C	T	C	C	T
149383212	G	A	G	G	G
149383242	G	C	C	C	C
149383305	A	G	G	G	G
149383366	A	C	C	C	C
149383476	G	G	T	T	G
149383540	C	T	C	C	T
149383594	T	T	T	G	T
149383597	G	G	G	C	G
149383599	G	G	G	T	G
149383600	T	T	T	A	T
149383606	A	A	A	G	A
149383607	A	A	A	G	A
149383609	T	T	T	G	T
149383610	T	T	T	C	T
149383612	G	G	G	A	G
149383616	T	T	T	A	T
149383617	T	T	T	A	T
149383618	T	T	T	A	T
149383619	T	T	C	T	T
149383620	T	T	T	C	T
149383625	T	G	T	T	T
149383629	T	G	T	T	T

149383632	T	T	T	G	T
149383633	T	T	T	T	G
149383635	T	T	T	G	T
149383638	T	T	T	G	T
149383641	A	A	T	A	A
149383649	A	A	T	A	A
149383651	G	G	T	G	G
149383661	A	A	T	A	A
149383662	A	A	T	A	A
149383666	C	C	G	C	C
149383676	A	A	T	A	A
149383680	T	T	C	T	T
149383685	A	A	C	A	A
149383686	A	A	T	A	A
149383689	A	A	C	A	A
149383691	G	G	C	G	G
149383714	C	C	T	T	C
149383897	A	G	G	G	G
149384037	A	G	A	A	A
149384164	C	C	T	T	C
149384346	T	C	C	C	C
149384417	C	C	C	C	A
149384424	A	G	G	G	G
149384523	T	A	A	T	T
149384595	C	T	C	C	T
149384654	A	G	G	G	G
149384764	C	C	T	T	C
149384765	G	A	G	G	A
149384795	G	G	A	G	G
149384811	G	A	G	G	A
149384818	C	T	T	T	T
149384943	T	C	C	C	C
149384944	G	A	G	G	A
149385052	C	C	T	T	C
149385111	T	T	T	T	C
149385238	G	A	G	G	A
149385255	C	C	T	T	C
149385388	A	T	T	T	T
149385394	C	G	C	C	G
149385411	T	G	G	G	G
149385555	G	A	G	G	G
149385583	C	C	C	C	T
149385630	T	T	T	T	C

149385641	C	G	C	C	G
149385770	C	C	C	C	A
149385905	C	C	T	C	C
149385991	A	G	A	A	A
149386018	G	A	G	G	G
149386026	G	A	G	G	A
149386222	T	T	T	T	C
149386267	C	G	G	G	G
149386287	T	T	G	G	T
149386316	G	T	T	T	T
149386370	A	G	A	A	G
149386445	T	C	T	T	C
149386455	C	A	A	A	A
149386490	C	A	C	C	A
149386506	A	A	A	A	G
149386637	A	G	A	A	G
149386683	G	G	A	A	G
149386724	G	T	G	G	G
149386755	T	T	C	C	T
149386774	T	C	T	T	C
149386791	A	G	A	A	G
149386807	G	A	G	G	A
149386991	G	T	G	G	T
149387024	T	T	T	C	T
149387086	C	C	T	T	C
149387252	T	C	C	C	C
149387276	T	T	C	C	T
149387279	C	T	C	C	C
149387329	G	A	A	A	A
149387364	G	A	G	G	A
149387416	A	A	G	G	A
149387418	T	C	C	C	C
149387563	T	T	C	C	T
149387699	C	T	C	C	C
149387765	C	C	C	C	A
149387998	G	A	G	G	A
149388000	C	A	A	A	A
149388049	A	A	A	A	C
149388069	G	G	G	G	A
149388357	G	A	G	G	G
149388409	A	G	A	A	G
149388452	T	C	C	C	C
149388500	T	C	T	T	T

149388630	T	C	C	C	C
149388684	A	G	A	A	A
149388700	T	C	T	T	T
149389005	C	C	T	T	C
149389084	A	G	A	A	G
149389217	C	T	T	T	T
149389411	T	T	C	C	T
149389446	T	T	C	T	T
149389476	T	C	T	T	C
149389652	T	T	T	T	C
149389678	C	T	C	C	T
149389692	A	A	G	A	A
149389715	C	C	C	C	T
149389918	T	T	T	T	C
149390118	G	G	G	G	A
149390340	C	C	G	C	C
149390347	T	C	T	C	C
149390408	T	C	C	C	C
149390594	T	T	T	T	C
149390598	C	T	C	C	C
149390630	G	G	G	G	C
149390669	G	G	G	C	G
149390695	G	G	G	G	A
149390700	T	G	G	G	G
149390709	C	G	G	G	G
149390838	C	A	C	A	A
149390854	G	G	A	G	G
149390906	C	C	C	C	G
149390910	A	G	A	A	G
149390994	G	G	G	G	A
149391040	C	C	C	C	T
149391062	G	A	G	G	A
149391112	C	C	C	C	T
149391175	C	T	C	C	C
149391285	T	T	C	T	T
149391335	C	A	A	C	A
149391336	G	A	A	G	A
149391392	C	C	C	C	G
149391394	T	G	T	T	T
149391519	A	G	A	A	G
149391527	G	T	G	G	T
149391635	C	C	T	T	C
149391788	C	T	C	C	T

149391820	A	A	G	G	A
149391966	G	G	G	G	T
149392012	T	A	T	T	A
149392093	G	C	G	G	C
149392146	G	C	G	G	C
149392501	T	C	T	T	T
149392567	A	G	G	G	G
149392607	A	G	A	A	A
149392680	A	A	A	A	T
149392695	T	C	C	C	C
149392759	G	A	G	G	G
149393166	A	A	G	G	A
149393349	T	C	T	T	T
149393403	T	T	C	C	C
149393435	A	G	A	A	A
149393438	A	G	A	A	A
149393466	C	T	T	T	T
149393574	C	C	A	A	C
149393779	G	G	G	G	A
149393909	A	G	A	A	G
149393950	G	G	G	G	A
149394018	T	C	T	T	C
149394386	A	G	A	A	G
149394405	T	A	T	T	T
149394415	G	A	A	A	A
149394418	G	G	G	G	A
149394451	G	A	G	G	G
149394466	G	A	G	G	G
149394526	C	C	T	C	C
149394559	G	T	T	T	T
149394766	A	G	A	A	A
149394780	C	C	C	C	G
149394808	C	T	C	C	C
149394810	A	C	C	C	C
149394866	C	C	T	T	C
149394872	A	G	A	A	A
149394981	T	C	T	T	C
149394982	G	C	G	G	G
149395083	A	T	A	A	A
149395085	A	A	A	A	G
149395099	A	G	G	G	G
149395303	C	T	C	C	C
149395348	T	C	T	T	T

149395423	A	T	A	A	A
149395539	C	T	T	T	T
149395557	C	C	T	T	C
149395642	T	T	T	T	C
149395855	G	A	A	A	A
149395872	G	A	G	G	G
149395893	T	T	T	T	C
149396010	G	C	C	C	C
149396030	C	C	C	C	T
149396031	G	A	G	G	G
149396054	A	A	G	G	A
149396197	T	T	T	T	C
149396446	A	G	A	A	G
149396557	G	A	A	A	A
149396611	G	A	G	G	G
149396688	C	A	A	A	A
149396716	C	C	C	C	T
149396777	A	G	A	A	G
149397054	C	C	C	C	T
149397071	G	A	G	G	G
149397202	C	C	C	C	T
149397323	T	C	T	T	T
149397324	G	A	G	G	G
149397423	G	G	G	G	A
149397599	T	T	T	T	A
149397606	T	T	T	T	G
149397625	A	A	A	A	G
149397639	A	G	A	A	A
149397723	G	G	G	G	T
149397730	T	C	T	T	T
149397818	G	G	G	A	G
149397917	A	C	A	A	C
149398092	G	G	A	A	G
149398095	T	G	G	G	G
149398212	T	G	G	G	G
149398307	T	G	G	G	G
149398403	A	G	A	A	G
149398610	T	C	C	C	C
149398718	T	C	C	C	C
149398745	T	C	C	C	C
149398801	C	C	T	T	C
149398902	C	A	C	C	A
149398953	G	G	A	A	G

149398964	C	C	T	T	C
149398994	T	T	T	T	A
149399188	T	C	C	C	C
149399244	T	T	G	G	T
149399260	G	T	G	G	T
149399273	C	T	C	C	T
149399378	C	C	C	C	T
149399389	A	G	A	A	G
149399444	T	C	T	T	C
149399829	A	A	G	G	A
149399854	G	G	G	G	A
149399903	A	G	A	A	G
149399910	A	T	T	T	T
149399961	T	A	T	T	A
149400020	G	A	A	A	A
149400047	C	C	C	C	G
149400342	T	T	C	T	T
149400507	T	T	T	T	C
149400724	G	A	A	A	A